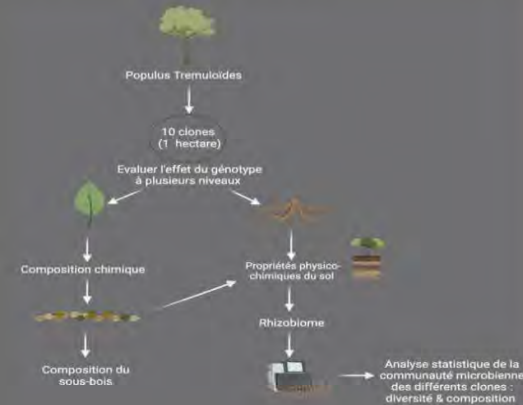


Microbiomes associés aux peuplements multi-clonaux de peuplier faux-tremble

Océane Fogliani(1), Yves Bergeron(1), Christine Martineau(2), Mebarek Lamara(1)

(1) Université du Québec en Abitibi-Témiscamingue, Institut de recherche sur les forêts (IRF), Québec, QC, Canada, J9X 5E4.

(2) Centre de foresterie des Laurentides, Québec, QC, G1V4C7.



@oceane_fogliani



Fogliani Oceane



Researchgate

1 Hypothèses de recherche

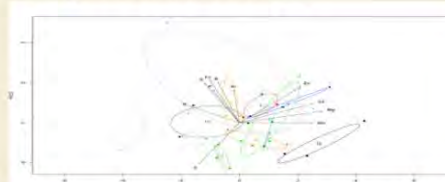
- Le génotype du peuplier faux-tremble influence la composition chimique des feuilles des différents clones.
- Le génotype influence la composition de la strate de sous-bois des clones de peuplier faux-tremble.
- Le génotype influence le microbiome de l'endosphère racinaire, de la rhizosphère et du sol des clones de peuplier faux-tremble.

3 Méthodes d'échantillonnages



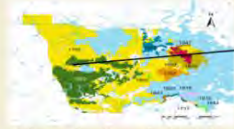
Un échantillonnage des 10 clones a été réalisé avec 5 individus/clone dont 3 points situés respectivement à 2 m de l'arbre. En chaque point, nous avons prélevé dans la couche organique (7-8 cm), un échantillon de sol et de racine et réalisé un inventaire de la communauté végétale du sous-bois.

5 Résultats préliminaires

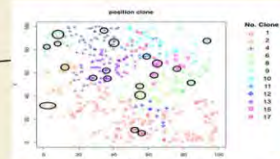


Analyse de composante principale de la composition chimique des feuilles des différents génotypes

2 Site d'étude



Carte des feux de forêt à la FERLD (source : FERLD)



Carte de l'ensemble des clones et des zones sélectionnées

4 Traitements des échantillons



Analyses physico-chimiques du sol et des feuilles

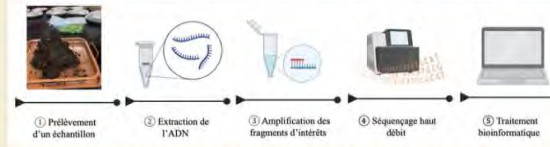


Schéma des étapes clés du Métabarcoding

Impact du projet :

- Nouvelles connaissances sur le rôle du génotype du peuplier, connaissances utiles dans une optique d'aménagement forestier.
- Evaluation de l'effet de la variabilité génétique intraspécifique sur l'environnement et pas uniquement l'effet de l'espèce.

